

IDENTIFICACIÓN DE REGIONES GENÓMICAS ASOCIADAS A LA RESISTENCIA A LA FUSARIOSIS DE LA ESPIGA EN TRIGO PAN

Ing. Agr. María Fiorella Franco, *Mg.*

Directora de Tesis: Ing. Agr. Ana Clara Pontaroli, *Dra.*

Co-Directora de Tesis: Ing. Agr. Gladys Albina Lori

Asesora: Lic. en Mat. M. Gabriela Cendoya, *M.Sc.*

En una población biparental derivada del cruzamiento entre dos variedades argentinas de trigo pan se buscó detectar regiones genómicas asociadas a la resistencia de tipo II a la Fusariosis de la espiga de trigo (FET), y determinar el efecto de algunos caracteres morfológicos en el desarrollo de la enfermedad. La información fenotípica se obtuvo en experimentos de campo en los que la enfermedad fue inducida mediante inoculación puntual con *Fusarium graminearum*. Esta información se analizó en conjunto con datos de marcadores SNP de las líneas y sus parentales. Se detectaron tres regiones genómicas asociadas con la resistencia a la FET (QTL). La identificación de QTL permitió avanzar preliminarmente en la postulación de genes candidatos. Dos QTL asociados a la FET colocalizaron con QTLs asociados al número de espiguillas/espiga. Además la resistencia a la FET se asoció significativamente con el número de flores/espiguilla y de flores/espiga. La consideración de atributos morfológicos asociados a la FET permitirá acelerar el desarrollo de cultivares resistentes.