

Monitoreo y caracterización genotípica de aislamientos de *Phytophthora infestans* en el
Sudeste de la Provincia de Buenos Aires, Argentina

RESUMEN

El tizón tardío de la papa, causado por el oomicete *Phytophthora infestans* (Mont.) de Bary, es la enfermedad más importante en América Latina y el mundo, que causa grandes pérdidas productivas y afecta la seguridad alimentaria. El centro de origen de la papa y de *P. infestans* es América Latina, donde el patógeno coevolucionó con una gran diversidad de especies de Solanáceas. Realizar un correcto monitoreo de las poblaciones del patógeno nos permite conocer la estructura de la población de *P. infestans* presente en Argentina y en cada zona productora de papa, información clave para determinar la variación genética poblacional dentro y entre poblaciones. También permite identificar las adaptaciones en las poblaciones, permitiendo detectar nuevos genotipos más virulentos o resistentes a fungicidas. Esta información puede ser empleada directamente para adaptar o modificar estrategias de control, acoplando la epidemiología a la toma de decisiones. El objetivo de esta investigación fue monitorear la diversidad genética del patógeno presente en la actualidad en lotes de producción de papa del sudeste de la Provincia de Buenos Aires (SEBA), una de las zonas productoras de papa más importantes de Argentina y realizar un análisis comparativo descriptivo con poblaciones representativas de otras regiones productoras de papa de Argentina y de Latinoamérica. Se incluyeron en este estudio muestras colectadas del SEBA, de distintas regiones productoras de papa de Argentina y de regiones productoras de Latinoamérica. Se caracterizaron en este estudio 64 aislamientos utilizando una reacción multiplexada de 12 marcadores moleculares microsatélites, empleando el paquete estadístico Poppr. Se incluyeron 48 aislamientos de Argentina, que fueron comparados con perfiles representativos de poblaciones de Colombia, Brasil, Chile y Panamá. Los resultados de los marcadores SSR mostraron que la población de *P. infestans* está dominada por la línea clonal EU_2_A1, observándose variaciones alélicas según el origen de los aislamientos. Estos datos permiten actualizar la información sobre la dinámica de la población genética de *P. infestans* en Argentina, distinguiendo las líneas dominantes en el país y la diversidad de las poblaciones presentes en la región.

PALABRAS CLAVE: microsatélites, diversidad genética poblacional, tizón tardío, *Solanum tuberosum*, SSR